



ID: 248 - Coqueluche debido a *Bordetella parapertussis* durante el año 2023

Tristán Mariano O.¹, Cobo Amaya Liliana¹, Vilar Gabriela N.¹, Grupo de trabajo de Coqueluche², Cadario María Estela¹, Lara Claudia S.¹

1-Servicio Bacteriología Clínica – Departamento Bacteriología – INEI – ANLIS “Dr. Carlos G. Malbrán”

2-Red Nacional de Infecciones Bacterianas del SNC, Respiratorias y Sistémicas.



INTRODUCCIÓN

Coqueluche es una enfermedad respiratoria aguda muy contagiosa, causada por *B. pertussis* (Bp) y, en menor medida, por *B. parapertussis* (Bpp). Las vacunas disponibles hasta ahora sólo protegen contra Bp. La infección por Bpp se asocia generalmente a formas leves, pero su presentación clínica resulta indistinguible de la originada por Bp. Si bien Bpp circula a nivel mundial y se describen brotes, representa solo 2-20% de los casos de Coqueluche. Existe una subestimación de Bpp, debido a que muchas regiones solo reportan Bp.

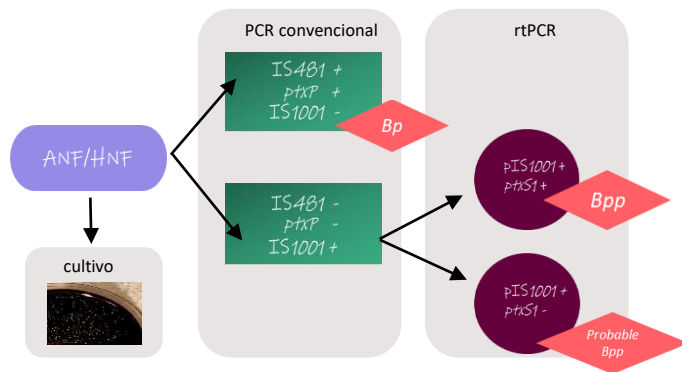
OBJETIVO

Describir los casos de Coqueluche debidos a Bpp, detectados durante 2023, en muestras respiratorias de pacientes con sospecha de la enfermedad, recibidas en el Laboratorio Nacional de Referencia para diagnóstico y/o confirmación.

MATERIALES Y MÉTODOS

Estudio descriptivo retrospectivo. De enero a diciembre de 2023, se estudiaron 332 muestras de casos con sospecha de Coqueluche (aspirado/hisopado nasofaríngeo) y además se recibieron 10 aspirados nasofaríngeos para confirmar la especie de *Bordetella*. Las muestras se estudiaron mediante cultivo en medio Regan-Lowe, *single* PCR de punto final para detectar y confirmar Bp con IS481 (Glare, *et al.*) y *ptxP* (Grimprel, *et al.*); *single* PCR de punto final de IS1001 para detectar Bpp (Lind-Brandberg Lena, *et al.*) y PCR en tiempo real (rtPCR) para confirmar Bpp y *B. holmesii* (Tatti, *et al.*). La identificación de especie se llevó a cabo según el siguiente flujograma. La identificación de especie se llevó a cabo según flujograma.

Flujograma de trabajo para identificación de especie de *Bordetella*.



RESULTADOS

De 332 casos, se detectaron 2 debido a Bp, 2 a Bpp y 1 a *Bordetella spp.* (probable Bpp). Se ratificaron los resultados de las 10 muestras recibidas para confirmar la especie, 9 correspondieron a Bpp y 1 a *Bordetella spp.* (probable Bpp). Los 11 casos de Bpp y los 2 de *Bordetella spp.* (probable Bpp), se detectaron en chicos < 3 años (62% varones). La distribución etaria y los signos y síntomas se describen en el gráfico N°1 y N°2, respectivamente. Se observó neumonía, una complicación de Coqueluche, en el 23% de los casos. En 6 casos se obtuvo el dato del estado vacunal, dos pacientes presentaban 3 dosis de DTP-HB-Hib, otros dos casos poseían 2 dosis y dos sin vacunación contra la enfermedad. Se recuperó un aislado de Bpp que, de acuerdo al esquema de MLST, perteneció a ST-19 (BIGSdb-Pasteur).

Gráfico N°1. Distribución de casos de Coqueluche por Bpp según edad (2023)

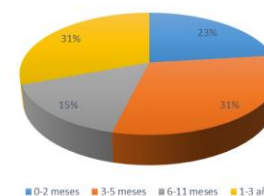
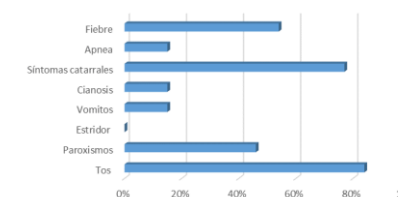


Gráfico N°2. Frecuencia de signos y síntomas en casos de Coqueluche por Bpp según edad (2023)



CONCLUSIONES

Dado que la epidemiología de Bpp es poco conocida, resulta de suma importancia que los laboratorios incluyan su detección y confirmación en el algoritmo diagnóstico de Coqueluche.

Grupo de trabajo de Coqueluche

Htal. Municipal Ramón Santamarina - Tandil - Buenos Aires	Dra. Mónica Sparo, Dra. Ana Blanco
Laboratorio Provincial de Epidemiología - Entre Ríos	Dra. Mercedes Salinas
Htal. Dr Humberto Notti - Mendoza	Dra. Julieta Barrión, Dra. María Alejandra Salomón
Laboratorio de Salud Pública - Mendoza	Dr. Carlos Espul, Dra. Silvia Ferrer
Laboratorio de Salud Pública - San Luis	Dra. Blanco Esteves, Dr. Juan Talía
CEMAR - Rosario - Santa Fe	Dr. Sergio Lejona - Dra. María Inés Zamboni - Dra. Tamara Spalding

